

十字花科数据库 助力分子设计育种

42↑

收集
高质量
参考基因组

案例单位

中国农业科学院蔬菜花卉研究所

访问网址

http://brassicadb.cn

建库时间

2010年

数据库内容

十字花科数据库收集了十字花科物种的42个高质量参考基因组，注释了所有基因组与模式植物拟南芥的共线性基因，并对共线性基因提供检索服务。十字花科数据库主要是以基因共线性关系为核心基础而构建的数据库，被业内人士广泛引用，为十字花科作物研究提供了强大的平台。

550

数据库引用量高达

100万

国内外累计访问量超过

案例亮点

弹窗检索系统方便用户快速跳转到目标页面进行检索；十字花科数据库是以共线性基因列表为基础构建的数据库，相较于同源基因可信度更高；新增的变异检索模块使大规模重测序数据可用于分子标记的设计；全社会免费公益共享平台，为服务科技强国提供了重要的数据基础。

服务对象

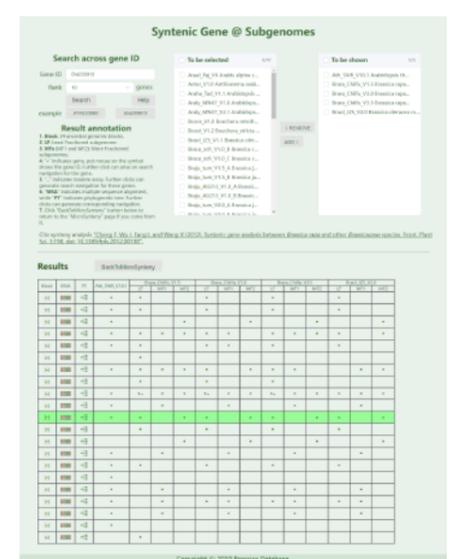
十字花科作物研究者

服务成效

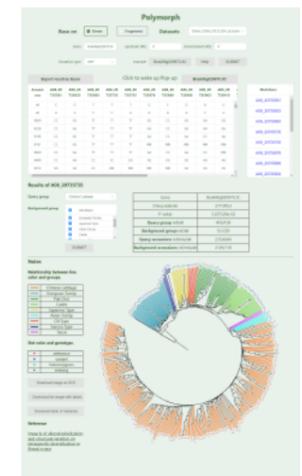
自数据库公开以来，支撑了国家重点研发项目、国家自然科学基金等项目的推进，对种业振兴将起到重要作用；辅助定位、克隆和分析了花青素合成相关基因、抗根肿病、耐抽薹性等超过200个基因或基因家族；被*Nature biotechnology*、*Nature genetics*、*Nucleic acids research*、*The plant cell*等知名杂志引用超过550次，国内外累计访问量超过100万次，是国际上最有影响力的芸薹属基因组数据库。



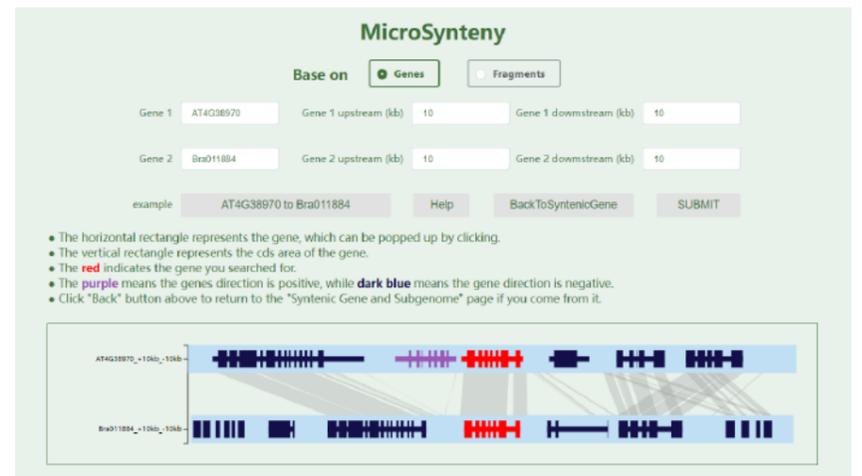
十字花科数据库首页



共线性基因检索页面



变异检索页面



序列间微共线性页面